

# Programa definitivo del Seminario

## Miércoles 2 de Mayo

12:30 Recepción y entrega de documentación

13:30 Comida

15:20 Apertura del Seminario

### Sesión 1a. Moderador: **Armando Caballero**

15:30-16:30 Conferencia invitada.

*I. Comas*

Compensatory evolution in rifampicin-resistant *Mycobacterium tuberculosis* strains.

16:30-17:00 *F. Palero, F. González-Candelas*

Bacterial evolution from and beyond multi-locus sequence typing.

17:00-17:30 *P. Domingo-Calap, R. Sanjuán*

Evolución experimental de un microvirus en presencia de mutágeno.

17:30-18:00 Café

### Sesión 1b: Moderador: **Carlos López-Fanjul**

18:00-18:30 *M. Sistiaga, K. García-Etxebarria, B. M. Jugo*

Genómica de retrovirus endógenos con polimorfismo de inserción en ovino

18:30-19:00 *M. P. García-Guerreiro, D. Vela, C. Vieira, A. Fontdevila*

Transposition bursts and expression rates in interspecific hybrids of *Drosophila buzzatii* and *D. koepferae*.

21:30 Cena

## Jueves 3 de Mayo

### Sesión 2a. Moderadora: **Ana Domínguez**

9:00-9:30 *V. Avila, A. Pérez-Figueros, A. Caballero, A. García-Dorado, C. López-Fanjul*  
Acción de la mutación, deriva genética y selección natural estabilizadora sobre caracteres cuantitativos epistáticos.

9:30-10:00 *J. M. Castro-Alvarez*

Aplicaciones de modelos de efectos genéticos con epistasia

10:00-10:30 *M. A. R. de Cara, B. Villanueva M. Toro, J. Fernández*

Purgación de poblaciones mediante apareamientos consanguíneos

10:30-11:00 *A. Vilas, A. Pérez-Figueroa, A. Caballero*

Un estudio de simulación sobre la eficiencia de los métodos de detección de loci selectivos basados en diferenciación génica utilizando marcadores neutros ligados.

11:00-11:30 Café

Sesión 2b. Moderador: **Jose Castresana**

11:30-12:15 A. Sanchez-Gracia, F. C. Almeida, C. Frias-López, S. Guirao-Rico, P. Librado, F. G. Vieira, M. A. Arnedo, J. Rozas  
Origen y evolución de los componentes moleculares del sistema quimiosensorial de artrópodos: aproximación genómica y transcriptómica

12:15-12:45 R. Zardoya, D. Osca, I. Irisarri, J. Esteban Uribe, J. Templado  
Gastropods mitogenomics.

12:45-13:15 A. Larruskain, E. Minguijón, I. Barrio, J. Benevides, V. Pérez, R. A. Juste, B. M. Jugo  
Identificación de genes ovinos implicados en la Susceptibilidad/Resistencia a la infección y progresión en una enfermedad de etiología viral

13:15-13:45 T. Pérez, F. Rodríguez, S. Hammer, J. Albornoz, A. Domínguez  
Hibridación y evolución reticulada en rebeco

13:45-15:30 Comida

Sesión 3a. Moderador: **Rafael Zardoya**

15:30-16:30 Conferencia invitada.  
E. Rolán-Alvarez, A. P. Diz, M. Martínez-Fernández  
Aplicaciones de la proteómica en la evolución

16:30-17:00 M. Pascual, V. H. García-Merchán, A. Robainas-Barcia, F. Palero, M. Rufino, G. Calabria, V. Ordóñez, C. Schunter, J. Blanyà, F. Mestres, E. Macpherson, P. Abelló  
Análisis genético y morfométrico en el cangrejo *Liocarcinus depurator* en la transición Atlántico-Mediterránea

17:00-17:30 J. Viñas, Rm M. Araguas, C. Pla  
Facts and uncertainties about the genetic population structure of Atlantic bluefin tuna in the Mediterranean

17:30-18:00 Café

Sesión 3b. Moderador: **Julio Rozas**

18:00-18:30 L. Peñarrubia, N. Sanz, J. Viñas, O. Vidal, C. Pla  
Caracterización genética del mejillón cebra (*Dreissena polymorpha*) en cuencas del Ebro y Llobregat: resultados preliminares

18:30-19:00 D. Díez-del-Molino, R. M. Araguas, O. Vidal, C. Alcaraz, E. García-Berthou, N. Sanz, J. L. García-Marín  
Estructura poblacional de *Gambusia holbrooki* en una cuenca altamente contaminada.

19:00-19:30 M. Vera, P. Martínez, C. Bouza, R. Vilas  
Estudios de variación genómica en poblaciones naturales y stocks de cultivo del rodaballo (*Scophthalmus maximus*) para la detección de variación adaptativa y huella de selección.

21:30 Cena

## **Viernes 4 de Mayo**

### Sesión 4. Moderadora: **Montserrat Aguadé**

- 9:00-10:00 Conferencia invitada.  
*X. A. S. Puente*  
Análisis de genomas: nuevos conocimientos y nuevas preguntas  
10:00-10:30  
10:00-10:30 *S. Alonso*  
¿Tiene la pigmentación de la piel algún valor adaptativo?  
10:30-11:00 *J. del Amo*  
Genética, enfermedades complejas y medicina personalizada: una mirada desde la perspectiva bioempresarial.
- 11:00-11:30 Café
- 11:30-12:30 Conferencia invitada.  
*A. Navarro*  
The truth under GWAS. Are the major contributors to genomic risk for complex diseases common to all humankind?
- 12:30-13:30 Asamblea de la sección de Genética de Poblaciones y evolución de la SEG
- 13:30-15:30 Comida

### Sesión 5. Moderadora: **Begoña Jugo**

- 15:30-16:00 *F. X. Picó*  
Análisis de la variabilidad temporal de la diversidad genética de las poblaciones: implicaciones conceptuales y limitaciones metodológicas
- 16:00-16:30 *M. Abdelaziz, A. J. Muñoz-Pajares, M. Berbel, F. Perfectti, J. M. Gómez*  
Association between inbreeding depression and phenotypic traits in *Erysimum mediohispanicus*: genetic and mating consequences.
- 16:30-17:00 *A. J. Muñoz-Pajares, M. Abdelaziz, M. B. Herrador, J. M. Gómez, F. Perfectti*  
Sustituciones e indels: combinando matrices de distancias en análisis filogeográficos
- 17:00-17:30 *N. Rodríguez-Ezpeleta y T. Martin Embley*  
El grupo SAR11 de alfa proteobacterias no está relacionado con el origen de la mitocondria.
- Finalización del Seminario